

Service Katalog

Getränke



Getränke

Die GEN-IAL GmbH ist ein nach DIN EN ISO 17025 flexibel akkreditiertes Labor für die Analyse von Lebensmitteln, Futtermitteln und Getränken mit hoher Fachkompetenz in der Auftragsanalyse und Herstellung von DNA-Extraktions- und Echtzeit-PCR-Kits für den Einsatz in Prüflaboren. Alle Produkte und Neuentwicklungen werden ständig verbessert, weiterentwickelt und an die Bedürfnisse unserer Kunden angepasst.



Weitere
Informationen



Screening und Identifizierung von Mikroorganismen mittels real-time PCR

Sie möchten Getränkeschädlinge möglichst zeitsparend und zuverlässig identifizieren und unterscheiden?

Bisher erfolgt der Nachweis von Spurenkontaminationen mittels kultureller Verfahren. Diese dauern

zwischen drei und zwölf Tagen. Das real-time PCR-Verfahren ermöglicht erheblich kürzere Analysezeiten von 1-2 Tagen.

Screening und Identifizierung von

REF.

Screening getränkeschädlicher Bakterien und Hefen

ID 020

Lactobacillus / Pediococcus, Pectinatus / Megasphaera, Hefen

Screening getränkeschädlicher Bakterien

ID 030

Lactobacillus / Pediococcus, Pectinatus / Megasphaera

Screening Biofilm produzierender Bakterien und Hefen

ID 095

Lactococcus lactis, Leuconostoc mesenteroides, Wickerhamomyces anomalus

Screening und Identifizierung bierschädlicher Bakterien

ID 080

L. acetotolerans, L. backii, L. brevis/ brevisimilis/ parabrevis, L. lindneri, L. casei/ paracasei, L. buchneri/ parabuchneri, L. collinoides/ paracollinoides, L. perolens/ harbinensis, L. plantarum/ paraplantarum, L. coryniformis, L. rossiae, Pediococcus spp. (P. acidilactici, P. parvulus, P. inopinatus, P. pentosaceus), P. claussenii, P. damnosus, Pectinatus spp., Megasphaera spp., Enterobacteriaceae, diastatische S. cerevisiae, Wickerhamomyces anomalus

Screening getränkeschädlicher Bakterien und Dekkera spp.

ID 090

Lactobacillus / Pediococcus, Pectinatus / Megasphaera, Dekkera spp.

Screening getränkeschädlicher Bakterien und diastatische S. cerevisiae

ID 040

Lactobacillus / Pediococcus, Pectinatus / Megasphaera, diastatische S. cerevisiae

Screening weinschädlicher Bakterien und Hefen

ID 320

Lactobacillus / Pediococcus / Oenococcus oeni, Essigsäurebakterien, Hefen

Screening weinschädlicher Bakterien mit Identifizierung von O. oeni

ID 330

Lactobacillus / Pediococcus, Oenococcus oeni, Essigsäurebakterien

Screening und Identifizierung von 8 weinschädlichen Bakterien und Hefen

ID 230

Lactobacillus / Pediococcus, Oenococcus oeni, Essigsäurebakterien, Hefen, Zygosaccharomyces bailii, Zygosaccharomyces rouxii, Dekkera bruxellensis

Screening und Identifizierung von 14 weinschädlichen Bakterien und Hefen

ID 220

Lactobacillus / Pediococcus / Oenococcus oeni, Essigsäurebakterien, Leuconostoc mesenteroides, Lactococcus lactis, Alicyclobacillus spp., Candida spp., Dekkera spp., Saccharomyces cerevisiae, diastatische S.cerevisiae, Schizosaccharomyces pombe, Zygosaccharomyces spp., Pichia spp.

Screening getränkeschädlicher Bakterien und Fremdhefen

ID 070

Lactobacillus / Pediococcus, Essigsäurebakterien, Enterobacteriaceae, Untergärige Hefe, Ober-gärige Hefe und Fremdhefen (Gruppe 1 und 2)

Fremdhefen Gruppe 1: Dekkera anomala, Dekkera bruxellensis, Dekkera custersiana, Dekkera naardenensis, Debaromyces hansenii, Hanseniaspora guillermondii, Hanseniaspora osmophila, Issotchenkia orientalis, Saccharomyces exiguus, Kluyveromyces marxianus, Metschnikowia pulcherrima, Wickerhamomyces anomalus, Pichia fermentans, Pichia membranaefaciens, diastatische S. cerevisiae, Saccharomycodes ludwigii, Torulaspora delbrückii

Fremdhefen Gruppe 2: Candida glabrata, Candida albicans, Candida kefyr, Candida intermedia, Candida parapsilosis, Candida sake, Candida tropicalis, Naumovozyma dairenensis, Pichia guil-liermondii, Zygosaccharomyces bailii, Zygosaccharomyces rouxii

Screening und Identifizierung von Alicyclobacillus

ID 720

Alicyclobacillus spp., A. acidoterrestris, A. acidocaldarius
inkl. Voranreicherung nach der IFU 12 Methode

Screening und Identifizierung biogener Amine bildender Bakterien

ID 345

Nachweis spezifischer Milchsäurebakterien, die an der Bildung biogener Amine im Wein beteiligt sind

Screening getränkeschädlicher Bakterien und Essigsäurebakterien

ID 944

Lactobacillus / Pediococcus, Pectinatus / Megasphaera, Essigsäurebakterien

Identifizierung von Bakterien mittels real-time PCR

Pseudomonas aeruginosa

ID 110

Enterobacteriaceae

ID 145

Weitere auf Anfrage

Identifizierung von Hefen und Fremdhefen mittels real-time PCR

Die mikrobiologische Detektion von Hefen und Fremdhefen ist ein wichtiger Bestandteil im Hygienemonitoring von Brauereien. Der Nachweis erfolgt

durch die real-time PCR und ermöglicht einen schnellen, hochempfindlichen und spezifischen Nachweis von unerwünschten Hefen.

Identifizierung von	REF.
obergärigen Kulturhefen	ID 150
untergärigen Kulturhefen	ID 160
diastatischer <i>S. cerevisiae</i>	ID 130
<i>Dekkera</i> spp.	ID 550
Identifizierung und Quantifizierung von <i>Dekkera bruxellensis</i>	ID 370
<i>Wickerhamomyces anomalus</i>	ID 175
<i>Candida</i> spp.	ID 130
<i>Zygosaccharomyces bailii</i>	ID 560
<i>Zygosaccharomyces rouxii</i>	ID 580
Fremdhefen	ID 540
Rhodotorula spp., Saccharomyces exiguus, Candida spp., diastatische <i>S. cerevisiae</i> , Saccharomycodes ludwigii, Debaromyces hansenii, Torulaspora delbrückii, Saccharomyces bayanus / pastorianus, Kluyveromyces marxianus, Hanseniaspora spp., Dekkera spp., Pichia spp.	
Fremdhefen Gruppe 1	ID 520
Dekkera anomala, Dekkera bruxellensis, Dekkera custersiana, Dekkera naardenensis, Debaromyces hansenii, Hanseniaspora guilliermondii, Hanseniaspora osmophila, Hanseniaspora uvarum, Issotchenkia orientalis, Saccharomyces exiguus, Kluyveromyces marxianus, Metschnikowia pulcherrima, Wickerhamomyces anomalus, Pichia fermentans, Pichia membranaefaciens, diastatische <i>S. cerevisiae</i> , Saccharomycodes ludwigii, Torulaspora delbrückii	
Fremdhefen Gruppe 2	ID 530
Candida glabrata, Candida albicans, Candida kefyr, Candida intermedia, Candida parapsilosis, Candida sake, Candida tropicalis, Naumovozyma dairenensis, Pichia guilliermondii, Zygosaccharomyces bailii, Zygosaccharomyces rouxii	

Identifizierung von Mikroorganismen mittels Sequenzierung

Spezifische DNA-Regionen der Probe werden mit der PCR-Methode amplifiziert und sequenziert. Die erhaltenen DNA-Sequenzen werden mit öffentlichen und in-house Datenbanken verglichen

(BlastN). Die Methode ist nicht geeignet, um Mischungen zu identifizieren. Dazu müssen die Mikroorganismen zunächst vereinzelt werden. Auf Wunsch führen wir Vereinzellungen durch.

Identifizierung von	REF.
Bakterien	SI 001
Hefen	SI 002
Bakterien und Hefen	SI 003
Schimmelpilze	SI 004

Untersuchung auf Hopfenresistenz mittels real-time PCR

Untersuchung von Bierproben auf bakterielle Kontaminationen und gleichzeitige Identifizierung der Hopfenresistenzgene *horA*, *horC*, *hitA* und ORF5 als genetische Marker für bierschädliche Mikroorganismen in Bier und Biermischgetränken. *HorA* und

horC sind vorwiegend für das bakterielle Wachstum in Bier verantwortlich, *hitA* und ORF5 zeigen stimulierende Wirkung. Je mehr Gene vorhanden sind, desto größer ist das bierschädliche Potential (synergistischer Effekt).

Nachweis von	REF.
getränkeschädlichen Bakterien und Hopfenresistenzgenen	ID 050
Lactobacillus / Pediococcus, Pectinatus / Megasphaera und gleichzeitige Identifizierung der Hopfenresistenzgene <i>horA</i> und <i>horC</i> als genetische Marker für bierschädliche Mikroorganismen in Bier und Biermischgetränken	
Hopfenresistenzgenen	ID 105
Hopfenresistenzgene <i>horA</i> , <i>horC</i> , <i>hitA</i> und ORF5	

Produktspezifische Methodenentwicklung und Validierung

Produktvariabilität und unterschiedliche Applikationen in den Unternehmen erfordern spezielle Anpassungen in den Nachweismethoden als Voraussetzung

für valide Untersuchungsergebnisse. Auf Wunsch übernehmen wir Entwicklung und Validierung.

REF.

Produktspezifische Methodenentwicklung und Validierung

PV 001

Nachweis von bierschädlichen Mikroorganismen in großen Probenmengen mittels PolyBIND®

Die Abtrennung und Anreicherung von Mikroorganismen aus großen Probenmengen oder feststoffbeladenen Proben sind für die mikrobiologische Diagnostik in der Getränkeindustrie problematisch. Die bisher verwendeten Filtrations- oder Zentrifugationsmethoden sind zeitaufwendig oder versagen durch Verblockung des Filters vollständig. Die neu entwickelten PolyBIND® Partikel ermöglichen erstmalig eine schnelle und einfache Isolation von Mikroorganismen aus großen Probenmengen und viskosen oder feststoffbeladenen Flüssigkeiten.

Die statistische Wahrscheinlichkeit Spurenkontaminationen zu erfassen wird so drastisch erhöht.

REF.

Nachweis von bierschädlichen Mikroorganismen in großen Probenmengen mittels PolyBIND®	PB 008
---	--------

Untersuchung auf Produktschädlichkeit

Nach Erhalt des Produktes wird dieses mit dem gewünschten Mikroorganismenstamm beimpft und unter den erforderlichen Bedingungen inkubiert. Nach anschließender Analyse erfolgt eine Risikobewertung.

REF.

Untersuchung auf Produktschädlichkeit	PS 001
---------------------------------------	--------

